



Szpital Uniwersytecki w Krakowie
Zakład Mikrobiologii
Pracownia Diagnostyki Molekularnej
30-688 Kraków, ul. M. Jakubowskiego 2
tel.: 12 400 36-50, 36-56, 36-57

MIEJSCE NA
KOD KRESKOWY

Załącznik ZAŁ04-P-ZM-01
Wydanie 08 z dnia 23.02.2024 r.
kod: 000000018583-88-797

<http://www.su.krakow.pl/jednostki/zaklady/zaklad-mikrobiologii>

ZLECENIE BADAŃ MOLEKULARNYCH *

NR BADANIA: (wypełnia Zakład Mikrobiologii SU)

DANE JEDNOSTKI ZLECAJĄCEJ / ODBIORCA WYNIKU: (pieczęć)		DANE PACJENTA:											
Nr ośrodka kosztów:		Nazwisko: _____											
Telefon: Data zlecenia:		Imię: _____											
DANE LEKARZA ZLECAJĄCEGO BADANIE:		PESEL / ID pacjenta: _____											
Pieczęć i podpis lekarza:		Data urodzenia: Płeć: <input type="checkbox"/> K <input type="checkbox"/> M											
		Adres:											
		Seria i nr dok. tożsamości:											
MATERIAŁ POBRANY DO BADANIA:		<input type="checkbox"/> Krew na EDTA <input type="checkbox"/> BAL <input type="checkbox"/> Krew na skrzep <input type="checkbox"/> Popłuczyny oskrzelowe <input type="checkbox"/> Wymaz z nosogardła <input type="checkbox"/> Wydzielina z drzewa oskrzelowego <input type="checkbox"/> Wymaz z nosa <input type="checkbox"/> Plwocina <input type="checkbox"/> Wymaz z gardła <input type="checkbox"/> Aspirat z tchawicy <input type="checkbox"/> Wymaz z policzka <input type="checkbox"/> Płyn opłucnowy <input type="checkbox"/> Śliną <input type="checkbox"/> Płyn mózgowo-rdzeniowy <input type="checkbox"/> Wymaz z krtani <input type="checkbox"/> Wymaz z miejsca replikacji <input type="checkbox"/> Płyn stawowy											
<input type="checkbox"/> HCV RNA jakościowo <input type="checkbox"/> HCV RNA ilościowo <input type="checkbox"/> HCV RNA ilościowo- tryb do 24h <input type="checkbox"/> HCV RNA - genotypowanie (1-7) /subtypy 1a i 1b <input type="checkbox"/> HIV-1 RNA ilościowo <input type="checkbox"/> HIV-1 RNA ilościowo- tryb do 24h <input type="checkbox"/> DNA allele HLA-B*5701 <input type="checkbox"/> HBV DNA ilościowo <input type="checkbox"/> HBV DNA ilościowo- tryb do 24h <input type="checkbox"/> HBV DNA - lekooporność (entecavir, lamivudyna, adefovir, telbivudyna) <input type="checkbox"/> HEV RNA jakościowo <input type="checkbox"/> CMV DNA ilościowo <input type="checkbox"/> CMV DNA jakościowo (zakażenia wrodzone) <input type="checkbox"/> EBV DNA ilościowo <input type="checkbox"/> HHV-6/HHV-7 DNA ilościowo <input type="checkbox"/> HHV-8 DNA jakościowo <input type="checkbox"/> HSV typ 1&2 DNA ilościowo <input type="checkbox"/> VZV DNA ilościowo <input type="checkbox"/> Parvovirus B19 DNA ilościowo <input type="checkbox"/> BK/JC Virus DNA ilościowo <input type="checkbox"/> Wirus małpiej ospy (MPXV) DNA <input type="checkbox"/> HPV DNA – 28 genotypów <input type="checkbox"/> SARS-CoV-2 RNA – tryb CITO <input type="checkbox"/> SARS-CoV-2 RNA/Grypa A/Grypa B/RSV RNA – tryb CITO		<input type="checkbox"/> Clostridioides difficile: Identyfikacja szczepu (027-NAP1-BI), toksyny B (tcpB) i binarnej (tcpA) <input type="checkbox"/> CPE DNA (Carbapenemase Producing <i>Enterobacteriales</i> : (IMP, VIM, NDM, KPC, OXA-48)) <input type="checkbox"/> <i>Chlamydia trachomatis</i> DNA ilościowo <input type="checkbox"/> <i>Mycoplasma hominis/M. genitalium/Ureaplasma urealiticum/parvum</i> DNA (wyłącznie noworodki) <input type="checkbox"/> Panel zakażeń drobnoustrojami atypowymi: <i>Chlamydophila pneumoniae/Mycoplasma pneumoniae/Legionella pneumophila</i> DNA <input type="checkbox"/> <i>Pneumocystis jiroveci</i> DNA ilościowo <input type="checkbox"/> <i>Bordetella pertussis/B. parapertussis/B. holmesii</i> DNA jakościowo <input type="checkbox"/> <i>Toxoplasma gondii</i> DNA jakościowo <input type="checkbox"/> <i>Borrelia</i> DNA jakościowo <input type="checkbox"/> <i>Denga, Zika, Chikungunya</i> RNA jakościowo <input type="checkbox"/> <i>Mycobacterium tuberculosis</i> DNA jakościowo											

* Na jednym formularzu można zlecić więcej niż jedno badanie



ZLECENIE BADAŃ MOLEKULARNYCH *

Panelne badania - Multiplex Real - Time PCR

- Molekularna diagnostyka sepsy:** *A.defectiva, A.baumannii, A.pleuropneumoniae, Anaerococcus spp., B.fragilis, B.pertussis, Borrelia spp./burgdorferi, Brucella spp., Burkholderia cepacia complex/pseudomallei, Campylobacter spp., Citrobacter koseri/freundii complex, Corynebacterium spp./diphtheriae/jeikeium/ulcerans, Enterobacter cloacae/cloacae complex, Enterococcus faecalis/faecium, E.coli, F.magna, Fusobacterium spp./nucleatum/necrophorum, G.adiacens, Haemophilus haemolyticus/influenzae, H.pylori, Klebsiella aerogenes/oxytoca/pneumoniae, L.pneumophila, Listeria spp., M.catarrhalis, M.morganii, N.meningitidis, P.multocida, Prevotella buccae/intermedia, Proteus spp./mirabilis, P.stuartii, P.aeruginosa, S.enterica, S.marcescens, Staphylococcus aureus/non-aureus, S.maltophilia group, Streptococcus anginosus group/agalactiae/ dysgalactiae/ pneumoniae/pyogenes/salivarius group, Yersinia enterocolitica, Aspergillus spp./clavatus/flavus/fumigatus/niger/terreus, Candida spp./ albicans/dubliniensis/parapsilosis/tropicalis/ glabrata, Cryptococcus neoformans, Cryptogattii, Fusarium oxysporum species complex, Fusarium solani species complex, Pichia kudriavzevii, Pneumocystis jirovecii/ murina, Scedosporium spp., 4 geny związane z bakteriami Gram-dodatnimi (vanA, vanB, mecA, mecC) oraz 5 genów oporności związanych z bakteriami Gram-ujemnymi (CTX m1/m3, IMP, KPC, NDM, OXA-48)*
- Panel w kierunku diagnostyki chorób tropikalnych:** *Crimean-Congo Hemorrhagic Fever virus (CCHFV), Dengue virus (DENV), Ebola virus, Hantavirus, Mayaro Virus, Rift Valley virus, West Nile Virus (WNV), Zika virus (ZIKV), Yellow fever virus, Chikungunya virus (CHIKV), Japanese Encephalitis (JE) virus, Trypanosoma cruzi, Plasmodium spp., Brucella spp., Coxiella burnetii, Burkholderia pseudomallei, Salmonella spp., Rickettsia spp., Leptospira spp., Leishmania spp., Streptococcus pneumoniae*
- Panel gastroenterologiczny DNA/RNA:** *Campylobacter (C.jejuni, C. upsaliensis, C. coli), Clostridium difficile (toxin A/B), Enteropathogenic E.coli (EAEC), Enteroinvasive E.coli (EIEC)/ Shigella, Enteropathogenic E.coli (EPEC), Enterotoxigenic E.coli (ETEC) I/ st, Plesiomonas shigelloides, Salmonella spp., Adenovirus F40/41, Astrovirus, Norovirus (GI, GII), Rotavirus A, Sapovirus (GI, GII, GIV, GV), Shiga-like toxin-producing E.coli (STEC) stx1/ stx2, Vibrio (V. vulnificus, V. parahaemolyticus, V. cholerae), Yersinia enterocolitica, Cryptosporidium, Cyclospora cayetanensis, Entamoeba histolytica, Giardia lamblia*
- Panel Meningitis/Encefalitis DNA:** *E.coli K/Haemophilus influenza, Listeria monocytogenes, Neisseria meningitidis, Streptococcus agalactiae/pneumonia/ pyogenes, Mycoplasma pneumonia, Enterovirus, HSV-1/2/6, Human parechovirus, VZV, Cryptococcus neoformans/gattii – tryb CITO*
- Panel oddechowy DNA/RNA:** *SARS-CoV-2, Influenza A, Influenza A subtype H1N1/H1/H3, Influenza B, Coronavirus 229E/HKU1/NL63/OC43/ Parainfluenza virus 1/2/3/4, Adenovirus, RSV A/B, Bocavirus, Rhinovirus/Enterovirus, Mycoplasma pneumoniae, Legionella pneumophila, Bordetella pertussis, Chlamydophila pneumoniae - tryb CITO*
- Panel oddechowy DNA/RNA:** *Influenza A, Influenza A/H1N1pdm09, Influenza B, hRSV A/B, ludzki Adenovirus, ludzki Metapneumovirus A/B, Coronavirus 229E,NL63,OC43,HKU1, Parainfluenza typ 1/2/3/4, Rhinovirus, Enterovirus, Bocavirus, Parechovirus, Mycoplasma pneumoniae,*
- Panel zakażeń układu moczowo-plciowego** *Chlamydia trachomatis DNA/Neisseria gonorrhoeae DNA/ M. hominis/M. genitalium/U. urealiticum/parvum DNA/S. agalactiae/Treponema pallidum/ Haemophilus ducreyi/ Trichomonas vaginalis/ HSV1/ HSV2*

ISTOTNE DANE KLINICZNE:

DANE OSOBY POBIERAJĄcej MATERIAL: Imię i nazwisko

PRZYJĘCIE MATERIAŁU (wypełnia Zakład Mikrobiologii SU)

Data: godzina: Osoba przyjmująca materiał: (czytelny podpis)